



2016年国际动植物基因组学大会 (PAG XXIV)

尊敬的_____先生/女士，您好！

2016年国际动植物基因组学大会（PAG XXIV）将于2017年01月在圣迭戈召开。

会议内容

PAG会议是国际知名的动植物、微生物基因组学研究的顶级学术会议，每年元月中旬在美国加州圣地亚哥Town & Country会议中心举行，每届会议约有3000余位来自世界各地的专家学者参与。专家们汇集一堂，报告、研讨动物、植物、微生物基因组学一年来的最新研究进展，内容广泛深入。随着多种生物基因组测序的相继完成，国际上动植物、微生物基因组学研究日新月异，每年都有一系列新方法、新技术在大会上率先展示。通过参加PAG会议可以及时了解国际上动植物基因组学研究及最新的农业生物技术产业的前沿发展动态。

PAG会议将包含2000篇摘要，135个展览，1200张海报展示和140个分会，世界各国科学家将汇集一起研讨模式生物、畜禽、水生生物、作物、微生物等基因组的最新研究进展，内容涉猎广泛，是动植物基因组研究最高水平的国际学术交流平台之一。

环球科学杂志社（科学美国人中文版）得到动植物基因组学会议组委会（PAG）的邀请，作为此次大会在中国的组织单位，负责中国大陆地区的会议联系工作（邀请函、签证、以及后期行程安排等），欢迎中国代表以团组形式参会。

组织委员会联合主席

Steven Heller 国际动植物基因组学会议主席

Catherine Feuillet, 拜耳作物科学公司 美国

J. Perry Gustafson, 密苏里大学 美国

Dave Clements, 约翰霍普金斯大学 美国

Jerome P. Miksche, 美国农业部

Graham Moore, 约翰英纳斯中心 英国

Susan R. Wessler, 加利福尼亚大学 美国

Rod A. Wing, 亚利桑那大学 美国

Daniel Ciobanu, 内布拉斯加州州立大学 美国

Kwan-Suk Kim, 忠北大学 韩国

Juan Medrano, 加利福尼亚大学 美国

Huajun Zhou, 加利福尼亚大学 美国

会议日程

abiotic stress	非生物逆境	analysis of complex genomes	复杂基因组分析
animal epigenetics	动物表观遗传学	applied triticeae genomics	应用小麦基因组学
Aquaculture	水产养殖	soybean genomics	大豆基因组学
banana genomics	香蕉基因组学	non-seed plants	非种子植物
ecological genomics	生态基因组学	forest tree forage, feedstocks&turf	林木 牧草、原料和草坪
fruits/nuts	水果/坚果	legumes	豆类
Solanaceae	茄科植物	ornamentals	观赏植物
rice functional genomics	水稻功能基因组学	subtropical&tropical tree crops	亚热带/热带木本作物
sugar cane sequencing initiative	甘蔗测序计划	pine genome reference sequence	松树/凤梨基因组参考序列
bioenergy grass genomics	生物能源草本植物基因组学	plant transgene genetics	植物转基因遗传学
bioinformatics	生物信息学	cattle/sheep/goat/swine	家牛/绵羊/山羊/猪
poultry	家禽	comparative genomics	比较基因组学
cotton genome initiative(ICGI)	国际棉花基因组计划	degraded DNA and paleogenomics	降解的DNA与古基因组学
development and application of transgenic technology in agriculture		农业转基因技术的发展与应用	
functional genomics	功能基因组学	fungus genomics	真菌基因组学
gene expression analysis	基因表达分析	genomics of non-classical model animals	非经典模式动物基因组学
genomics of rice disease	水稻病害基因组学	genomics of tissue regeneration in plants and animals	动植物组织再生基因组学
harnessing genetic diversity to advance food security	利用基因多样性推进食品安全	host-microbe interactions	微生物及其宿主之间的相互作用
harnessing genetic diversity to advance food security	利用基因多样性推进食品安全	host-microbe interactions	微生物及其宿主之间的相互作用
weedy and invasive plant	杂草及入侵植物	proteomics	蛋白质组学
root genomics	根基因组学	sequencing complex genomes	复杂基因组的测序
speciation genomics	物种形成基因组学	systems genomics	系统基因组学
the analysis and role of the microbiome	微生物组的分析及其作用	organellar genetics	细胞器遗传学
plant and animal genome paleogenomics	动植物基因组的古基因组学	plant cytogenetics	植物细胞遗传学
plant interactions with pests&pathogens	植物与害虫和病原体的相互作用	plant molecular breeding	植物分子育种
barley cassava sorghum&millets maize oats		大麦 木薯 高粱和小米 玉米 燕麦	

会议门票

	提前注册 10月31日之前	标准注册 10月31日之后	现场注册
高校、政府	590美金	720美金	820美金

企业	900美金	1000美金	1100美金
学生	390美金	460美金	490美金

